

مقاله پژوهشی



مجله سنجش و ایمنی پرتو، جلد ۱۱، شمارهٔ ۱، بهار ۱٤۰۱، صفحه ۳۹–٤٤ تاریخ دریافت مقاله: ۱٤۰۱/۰۳/۱۷، تاریخ پذیرش مقاله: ۱٤۰۱/۱۱/۱۳

محاسبه کمیتهای میکرودوزیمتری الکترونهای کم انرژی در ساختارهای زیر سلولی به کمک

کد Geant4-DNA

مجتبی مکاری*

گروه فیزیک، دانشکده علوم، دانشگاه صنعتی خاتم الانبیاء (ص) بهبهان، بهبهان *خوزستان، بهبهان، دانشگاه صنعتی خاتم الانبیاء(ص) بهبهان، گروه فیزیک، کدپستی: ۲۳۹۷۳–۲۳٦۱۶ mokari@bkatu.ac.ir پست الکترونیکی:

چکیدہ

با کمک تعریف کمیتهای تصادفی وابسته به ساختارهای میکروسکوپی، میکرودوزیمتری میتواند دستیابی به اطلاعاتی دقیق از اثرات تابش را فراهم سازد. با استفاده از روش توزیع تصادفی موسوم به randomness و کد Geant4-DNA، در یک کره از جنس آب برای الکترونهای کم انرژی در بازه انرژی //۰ تا keV ماک، مقادیر میکرودوزیمتری متوسط انرژی ویژه فراوانی و دوز و همچنین متوسط انرژی خطی فراوانی و دوز محاسبه شده است. در این پژوهش، حجمهای هدف شامل استوانههایی به ابعاد (ارتفاع × قطر) ۲۳×۲۳ معادل حجم DNA، ۵۰×۱۰۰ معادل حجم نوکلئوزوم و ۳۰۰×۲۰۰۰ آنگستروم معادل حجم فیبر کروماتین انتخاب شدهاند. با بررسی متوسط انرژی خطی فراوانی و دوز تغییرات نسبت به انرژی الکترونهای اولیه با روند تغییرات آسیب همان الکترونها در DNA شباهت دارد. همچنین نتایج پژوهش با نتایج موجود از شبیهسازی با کدهای ZTT و KURBUC نیز مقایسه شده است. تفاوتهایی در نتایج این پژوهش با نتایج کدهای ZTT و KURBUC مشاهده شد که به دلیل تفاوت در سطح مقطع مورد استفاده برای الکترون در کدهای مورد بررسی است. به عنوان مثال در کد Geant4-DNA مشاهده الکترونهای کم انرژی سطح مقطع یونیزاسیون و برانگیختگی به نسبت دیگر کدها، کوچکتر است.

کلیدواژگان: الکترون، میکرودوزیمتری، روش Geant4-DNA ، µ-randomness، انرژی ویژه z، انرژی خطی y.

۱. مقدمه

متناسب با اندازه تومور بدون آسیب به بافتهای سالم اطراف را دارند. البته میزان انرژی انباشت شده و توزیع فضایی نقاط برهمکنشی در ماده، در اثر برهمکنش این ذرات، تصادفی است. بهطور کلی عوامل تابشی که می توانند بر ساختارهای بیولوژیکی بررسی اثر پرتوهای یونساز با سلول و ماده وراثتی آن، اطلاعات مهمی را برای شناخت بهتر زمینههای علمی مثل بیوفیزیک پرتویی، پرتودرمانی و تصویربرداری پزشکی به ما میدهد. پرتوهای یونساز در محیط مادی پتانسیل ایجاد دوز جذبی

تاثیر بگذارند، شامل: دوز جذب شده، تعداد، توزیع و همبستگی نقاط برهمکنشی و همچنین میزان انرژی انباشت شده در نقاط برهمکنشی هستند [۱].

مسأله مهم در اینجا این است که در نظر گرفتن کامل ساختارهای زیستی و تمام فعل و انفعالات تابشی، بسیار پیچیده است. روسی و همکاران با در نظر گرفتن مفاهیمی که بتوانند ویژگیهای اصلی جذب تابش را به ابعاد و نوع بافت مرتبط کنند و با طراحی روشهای مفهومی و تجربی لازم، مشکلات مربوط به اندازه گیری دوزها را در حجمهای میکروسکوپی تا حدودی بر طرف نمودند [۲]. بدین ترتیب به عنوان شاخهای از بیوفیزیک تابشی، مطالعه توزیعهای فضایی، زمانی و تصادفی فرایندهای انباشت انرژی در سطوح میکروسکوپی مورد پژوهش قرار گرفت و مفاهیم میکرودوزیمتری برای تعیین کمیتهای تصادفی مسیرهای تابش با معرفی پارامترهایی مانند انرژی ویژه Z و انرژی خطی V به جای دوز و انتقال انرژی خطی^۱ به کار گرفته شدند.

بیشتر کارهایی که در زمینه میکرودوزیمتری تاکنون انجام شده بهصورت شبیهسازی به کمک کدهای موجود است. از آن جمله میتوان به پژوهشهای: لیامسوان و همکاران به کمک کدهای PITS و VURBUC برای پرتوهای کربن و پروتون [۳] و الکترون [٤] همچنین نیکجو و همکاران [٥] با کد KURBUC، نکه مقادیر میکرودوزیمتری را در کرهها و استوانههایی با اندازه کوچک برای برخی از یونهای سنگین محاسبه کردهاند، اشاره کرد. رولت و همکاران [٦] از FLUKA برای محاسبه توزیعهای انرژی خطی در یک محیط با دیواره مشخص استفاده کردند تا عملکرد کد ALUKA را برای الکترونهای کم انرژی بررسی کنند. اخیراً مکاری و همکاران [۷]، به کمک کد میکرودوزیمتری انرژی ویژه و انرژی خطی را برای پروتونها میکرودوزیمتری انرژی ویژه و انرژی خطی را برای پروتونها

محاسبه کرده و با مقادیر شبیهسازی قبلی مقایسه نمودهاند، همچنین آسیب دورشتهای پروتونها در DNA را با روند تغییرات کمیتهای میکرودوزیمتری پروتون مورد بررسی قرار دادهاند [۸].

در این کار، به کمک کد Geant4-DNA، پرتوهای الکترون در بازه انرژی ۰۱، تا ٤/٥ keV در محیط آب شبیهسازی می شود و کمیتهای میکرودوزیمتری انرژی ویژه و انرژی خطی در ساختارهای زیر سلولی مثل DNA، نوکلئوزوم و فیبر کروماتین محاسبه می شود. این کمیتها در پرتودرمانی و طراحی درمان با الکترونهای اولیه یا در مواردی که الکترونها پرتوهای ثانویه هستند، می تواند مورد استفاده قرار گیرد. ماهیت این پژوهش، در اثر برهمکنشهای فیزیکی و مستقیم پرتو در ماده است که مورد بررسی قرار می دهد. کمیتهای ذکر شده تاکنون برای الکترونهای کم انرژی با کد Geant4-DNA و به روش روش Geant4-DNA و میتایم است و فقط نتایج الکترون به روش در محاسبه نشده است و فقط نتایج الکترون به روش RURBUC و با کد QIT4 و می مایسه ای با نتایج روش محاسبه شده است [3] که در این پژوهش مقایسه ای با نتایج مدکسبه شده است [3] که در این پژوهش مقایسه ای با نتایج مدکور صورت گرفته است.



شکل (۱): محیط کار و چشمه پرتوهای الکترون.

۲. مواد و روشها

این پژوهش به کمک کد Genat4-DNA انجام شده است، که بر پایه کد (ceant4 (v10.06p2) توسعه یافته و امکان شبیه سازی تابش ها در محیط های کوچک با ابعادی در مقیاس

¹ Linear Energy Transfer (LET)

DNA، یعنی حجمهای نانومتری به آن اضافه شده است. مدل استفاده شده در این تحقیق، مدل پیش فرض Geant4-DNA با انرژی برش eV ۷/۶ است. برهمکنش های الکترونی در مدل اصلی کد شامل: پراکندگی الاستیک (eV ۲/۶ eV تا MeV ۱)، برانگیختگی الکترونی (eV ۹ تا MeV ۱)، یونیزاسیون (eV ۱ ۱ تا MeV ۱)، فعل و انفعلات پیوست مولکولی (eV ۶ تا eV) می باشد.

به منظور انجام این پژوهش، ابتدا، پرتوهای الکترون در بازه انرژی ۰/۱ تا ٤/٥ keV، مطابق شکل ۱ بهطور موازی از نیمی از سطح کرهای از جنس آب ترابرد و شبیهسازی شده است. قطر کره آب برابر ۲µm برابر میانگین شعاع هسته سلولهای پستاندارن در نظر گرفته شده است [۹]. ذرات اولیه الکترونی، بین ۱۰۰۰ تا ۲۰۰۰۰ پرتو با توجه به انرژی الکترونهای اولیه، به منظور توزیع کافی رد پرتو در محیط انتخاب شده که در سطح کره موازی با قطر آن ترابرد شدهاند. تعداد پرتوها در هر انرژی به گونهای انتخاب شده که با تغییر ٪٥ تعداد پرتوها در هر انرژی (تعداد پرتو ± ٪٥ آنها)، تغییرات نتایج شبیهسازی زیر ٪٥ باشد. برای بررسی توزیع انرژی انباشت در نمونههای هدف انتخاب شده، الكترونها تا انرژي برش رديابي شدند. البته بيشتر فعل و انفعالات فیزیکی، به جز پراکندگی الاستیک منجر به انباشت انرژی میشوند. برای بررسی مقادیر میکرودوزیمتری، با استفاده از الگوریتمی با زبان برنامهنویسی پایتون، حجمهای استوانهای هدف با ابعاد (ارتفاع×قطر)، ٢٣×٢٣، ٥٠×١٠٠ و ٣٠٠×٣٠٠ آنگستروم، معادل ساختارهای DNA، نوکلئوزوم و فیبر كروماتين انتخاب شدهاند.

برای تضمین نمونه گیری مناسب، استوانه های نمونه برداری شده در حجم هدف با روش μ-randomness توزیع شده است. روش μ-randomness در کار قبلی ما به طور کامل شرح داده شده است [۷]. نمونه گیری با دو آزمون سنجیده شده است. در آزمون اول نسبت انرژی انباشت در کره اصلی به حجم آن و

نسبت انرژی انباشت در استوانههای هدف به حجم آنها مقایسه $\frac{1}{\overline{z_f}}$ شد. در آزمون دوم معکوس متوسط انرژی ویژه فراوانی $\frac{1}{\overline{z_f}}$ شد. در آزمون دوم معکوس متوسط انرژی ویژه فراوانی f(0) مقایسه با فرکانس انرژیهای انباشت بزرگتر صفر f(0) مقایسه شد [v]. درصورتی که آزمونهای مذکور با اختلاف کمتر از v. برقرار باشند، نمونه گیری تایید و وارد مرحله محاسبات می شویم. برقرار باشند، نمونه گیری تایید و وارد مرحله محاسبات می فریم ویژه فراوانی ویژه فراوانی و در مرحله نهایی کمیت های میکرودوزیمتری متوسط انرژی ویژه فراوانی و فراوانی و دوز $(\overline{z_f}, \overline{z_f}, \overline{z_f$

$$\overline{y}_{F} = \int_{0}^{\infty} y f(y) dy \tag{1}$$

$$\overline{y}_{D} = \int_{0}^{\infty} y d(y) dy = \frac{\int_{0}^{\infty} y^{2} f(y) dy}{\int_{0}^{\infty} y f(y) dy} = \frac{\overline{y}_{F}^{2}}{\overline{y}_{F}} \quad (7)$$

$$\overline{z_{F}} = \int_{0}^{\infty} z f_{1}(z) dz \tag{(7)}$$

$$\overline{z_{D}} = \int_{0}^{\infty} z d_{1}(z) dz = \frac{\int_{0}^{\infty} z^{2} f_{1}(z) dz}{\int_{0}^{\infty} z f_{1}(z) dz} = \frac{\overline{z_{F}^{2}}}{\overline{z_{F}}} \qquad (\pounds)$$

انرژی خطی به صورت $\frac{3}{l} = y$ تعریف می شود که در آن *3* انرژی منتقل شده و برابر با جمع کل انرژی های انباشت شده توسط یک رویداد واحد در حجم است. \overline{J} برای استوانهای با 2RH/(R+H) متوسط طول وتر از رابطه (R+H)(R+H) شعاع R و ارتفاع H، متوسط طول وتر از رابطه (R+H) بهدست می آید. انرژی ویژه نیز به صورت $\frac{3}{m} = z$ تعریف می شود که در آن *3* انرژی منتقل شده در جرم *m* است [۱۰]. همچنین (y) f (یا(z)) چگالی احتمال این است که انرژی نطی (یا انرژی ویژه برای یک رویداد واحد) برابر یا کوچکتر از y (یا z) باشد. (y) b (یا (z)) چگالی احتمال کسری از دوز جذب شده در هر رویداد، در انرژی خطی (یا انرژی ویژه برای یک رویداد واحد) برابر یا کوچکتر از y (یا z) می باشد [۱۰].

در ادامه کار، کمیتهای میکرودوزیمتری در استوانههایی به ابعاد (ارتفاع×قطر) ۲۳×۲۳ معادل حجم DNA، ۵۰×۱۰۰ معادل حجم نوکلئوزوم و ۳۰۰×۳۰۰ آنگستروم، معادل حجم فیبر کرواتین ارائه شده است.

۳. بحث و بررسی نتایج

پس از انجام شبیهسازی پرتوها در کره آب به قطر ۲µm با کد Geant4-DNA، مختصات نقاط برهمکنش فیزیکی الکترون به همراه انرژی انباشت شده در آن نقاط از خروجی کد Geant4-DNA استخراج شد. به کمک روش µ-randomness استوانههای هدف در کره آب پخش شد و فراوانی انرژی انباشت در استوانهها اندازهگیری شده و توابع چگالی احتمال مربوطه محاسبه شد. برای اینکار، مختصات فضایی نقاط دارای انباشت انرژی، نسبت به فضای استوانههای هدف، بررسی شده تا مشخص شود کدام نقاط برهمکنشی در استوانه هدف قرار گرفته است. سپس انرژی انباشتشده (بهصورت مجموع انرژیها) در هر استوانه محاسبه شده و توزیع چگالی احتمالی با توجه به فراوانی و مقدار انرژی کل انباشت شده در استوانه های هدف، محاسبه شده است. در پایان به کمک معادلات ۱ تا ٤ کمیتهای میکرودوزیمتری متوسط انرژی ویژه فراوانی و دوز (ج و Z D) و متوسط انرژی خطی افراوانی و دوز ($\overline{y_p}$ و $\overline{y_r}$) محاسبه شده است. جدول ۱ کمیتهای میکرودوزیمتری ذکر شده را برای الکترونهای تک انرژی در بازه ۰/۱ تا ٤/٥ keV ارائه می دهد. این کمیتها، در سه حجم مختلف معادل DNA، نوکلئوزوم و فيبر کروماتين که جزء بخشهای زیر سلولی هستند، به دست آمده است. همانگونه که مشاهده می شود، کمیتهای متوسط انرژی ویژه و انرژی خطی فراوانی و دوز با افزایش انرژی الکترونها کاهش مییابد. البته در انرژیهای کم به دلیل برهمکنشهای بیشتر پرتوهای الکترون (اولیه و یا ثانویه)، کمیتهای محاسبه شده

بزرگتر هستند که این روند نیز در محاسبات آسیب DNA و شکستهای رشتهای در کار مکاری و همکاران برای الکترونهای در همین بازه انرژی نیز مشاهده شده است [۱۱].

جدول(۱): کمیتهای میکرودوزیمتری انرژی ویژه میانگین فراوانی و دوز و انرژی خطی ویژه میانگین فراوانی و دوز برای الکترونهای کم انرژی در بازه ۰/۱ تا ٤/٥ keV به کمک شبیه سازی کد Geant4-DNA.

ارتفاع× قطر (Å×Å)	•/1	۰/۳	•/•	١	١/٥	£/0	انرژی (keV)
۲۳×۲۳	٦/٢٥	۲/۵۳	۰/۹۲	./10	•/١•	۰/۰۹	\overline{y}_F
1 · · × ° ·	19/10	۱٤/۲۸	۳۱/۲	1/10	۰/٤٥	۰/٤٣	(keV/µm)
* • • × * • •	۲۰/٦١	۳٦/٦٤	۱۷/۸٤	0/97	۲/۳۸	۰/۷٥	
۲۳×۲۳	03/12	۳۰/۹۲	۱۷/۳۸	•/٦٨	•/٣٦	•/٢٥	<u>y</u> D
1 · · × • ·	۲۲/۲۸	۷۳/۰٥	۳۲/۳۳	18/98	1./20	1./٣١	(keV/µm)
* • • × * • •	84/77	14/09	75/07	۲۸/٤٠	17/77	۸/۰٦	
17×17	14/88	٦/٤٩	۲/۳٦	•/٣٨	۰/۲٦	۰/۲٤	$\overline{Z}_F/1$
1 · · × • ·	٤/٠٤	۳/۰۱	1/80	۰/۲۳	۰/۰۹	۰/۰۸	(cGy)
* • • × * • •	۰/۳۱	./00	٠/٢٧	۰/۰۹	۰/۰٤	۰/۰۱	
۲۳×۲۳	۱۳/۷۰	۷٩/٣٧	11/11	14/5	۹/۳۰	٦/٥.	$\overline{z}_D/1*$
1 × .	1 8/47	١٤/٨٨	۲/٦١	۲/۱۳	۲/۱۷	۲/۱۱	(cGy)
* • • × * • •	•/٤0	1/+ 1	٠/٩٢	•/٤٣	•/19	٠/١٢	

شکل ۲ نمودار متوسط انرژی خطی فراوانی و دوز (🖌 و را در مقایسه با نتایج کدهای PITS و KURBUC و توسط لیامسوان و همکاران [٤] نشان میدهد. مشاهده می شود که انرژیهای مخصوص میانگین فراوانی این دو تحقیق در انرژیهای پایین تر از keV ۱ برای کد Geant4-DNA بزرگتر و در انرژیهای بالاتر keV ۱ مقادیر محاسباتی با کدهای PITS و KURBUC بزرگتر است. این روند در محاسبه آسیب پرتوهای الکترون کم انرژی در DNA و سلول، در پژوهش های مکاری و همكاران نيز مشاهده شده است [١١ و ١٢]. علت اختلاف نتايج شبیهسازی ها می تواند در تفاوت در سطح مقطع مورد استفاده برای الکترون باشد. به عنوان مثال در کد Geant4-DNA برای الکترونهای کم انرژی سطح مقطع یونیزاسیون و برانگیختگی به نسبت دیگر کدها، کوچکتر است [۱۳] همچنین با محاسبه متوسط طول وتر هر استوانه، مقادير ۱۵/۳ ، ۲۵ و ۲۰۰ آنگستروم بهدست میآید که به دلیل سهم انرژی انباشت زیاد در حجمهای بزرگ و ماهیت تصادفی این کمیت، مقادیر مذکور در استوانههای بزرگتر نسبت به کوچکتر، بیشتر است.

شکل(۲): انرژی خطی ویژه میانگین فراوانی (شکل بالا) و دوز (شکل پایین) برای الکترونهای کم انرژی در بازه ۰/۱ تا ٤/٥ keV به کمک شبیه سازی کد Geant4-DNA را درمقایسه با نتایج لیامسوان و همکاران با کدهای PITS و KURBUC در استوانههایی با ابعاد یکسان نشان می دهد (ابعاد استوانهها به آنگستروم می باشد).



شکل(۳): انرژی ویژه میانگین فراوانی (شکل بالا) و دوز (شکل پایین) برای الکترونهای کم انرژی در بازه ۰/۱ تا ٤/٥ keV به کمک شبیه سازی کد Geant4-DNA (ابعاد استوانهها به آنگستروم می باشد).



٤. نتيجه گيرى

به کمک ماهیت تصادفی انباشت انرژی ناشی از برهمکنشهای فیزیکی بین پرتو و ماده و با استفاده از کد Geant4-DNA ، کمیتهای میکرودوزیمتری مربوط به پرتوهای الکترون کم انرژی را به منظور بررسی کارایی کد Geant4-DNA محاسبه کردیم. برای این کار سه حجم استوانهای شکل در اندازههای مختلف شبیه اندازههای ارگانهای زیر سلول مانند DNA، نوکلئوزوم و فیبر کروماتین را در نظر گرفتیم و نتایج کار را با نتایج موجود از شبیهسازی با کدهای PITS و KURBUC نیز مقایسه کردیم. مشاهده شد که با مقایسه متوسط انرژی خطی فراوانی و دوز این دو تحقیق در انرژیهای پایین تر (الکترونهای

شکل ۳ نمودار متوسط انرژی ویژه فراوانی و دوز (_۲ ۶ و _۵ *Σ*) را برای الکترونها در این پژوهش نشان می دهد. مشاهده می شود که مقادیر میکرودوزیمتری این پژوهش با حجم استوانههایی تغییر می کنند که به ترتیب نسبت حجمی ۱ ، ٤۱ و ۲۲۱۹ برای استوانههای کوچک، متوسط و بزرگ دارند. در انرژیهای کم این وابستگی حجمی بسیار بیشتر است اما در انرژی های بالاتر، این وابستگی حجم کمتر شده و مقادیر انرژی ویژه به مقادیری از مرتبه چند در^۲۰۱ سانتی گری همگرا می شوند. Influence of low energy electrons. Radiat. Meas. 45 (2010) 1330-1333.

- M. Mokari, H. Moeini, M. Soleimani, Calculation of microdosimetric spectra for protons using Geant4-DNA and a μ-randomness sampling algorithm for the nanometric structures, Int. J. Radiat. Biol. 97 (2021) 208-218.
- M. Mokari, M. H. Alamatsaz, H. Moeini, R. Taleei. A Simulation Approach for Determining the Spectrum of DNA Damage Induced by Protons. Phys Med Biol. 63(2018) 175003.
- E. Polig, D. B. Kimmel, W. S. S. Jee. Morphometry of bone cell nuclei and their location relative to bone surfaces. Phys. Med. Biol. 29 (1984) 939-952.
- ICRU. Microdosimetry. Bethesda: International Commission on Radiation Units and Measurements, 1983.
- M. Mokari, M. H. Alamatsaz, H. Moeini, A. A. Babaei Brojeny, R. Taleei. Track structure simulation of low energy electron damage to DNA using Geant4-DNA. Biomed. Phys. Eng. Express 4 (2018) 065009.
- M. Mokari, H. Moeini, M. Soleimani, E. Fereidouni. Calculation and comparison of the direct and indirect DNA damage induced by low energy electrons using default and CPA100 cross section models within Geant4-DNA. Nucl. Instrum. Methods Phys. Res. B 480 (2020) 56–66.
- G. Famulari, P. Pater, S. Enger. Microdosimetry calculations for monoenergetic electrons using Geant4-DNA combined with a weighted track sampling algorithm. Phys. Med. Biol. 62 (2017) 5495–5508.

اولیه) از keV ۱ نتایج کد Geant4-DNA بزرگتر و در انرژیهای بالاتر از KURBUC مقادیر محاسباتی با کدهای PITS و KURBUC کم بزرگتر است که این روند در محاسبه آسیب پرتوهای الکترون کم انرژی در DNA و سلول، در پژوهشهای مکاری و همکاران نیز مشاهده شده است. همچنین، در خصوص متوسط انرژی ویژه فراوانی و دوز (\overline{z}_{r} و \overline{z}_{r}) الکترونهای کم انرژی، نتایج جدیدی بدست آمده است که قبلاً با استفاده از روش جدیدی بدست آمده است که قبلاً با استفاده از روش نتایج میتواند در پرتودرمانی و طراحی درمان با الکترونهای اولیه یا در مواردی که الکترونها پرتوهای ثانویه هستند، مورد استفاده قرار گیرد.

- ٥. مراجع
- H. Nikjoo, D. Emfietzoglou, R. Watanabe, S. Uehara. Can Monte Carlo track structure codes reveal reaction mechanism in DNA damage and improve radiation therapy?, Rad. Phys. Chem. 77 (2008) 1270-1279.
- H. H. Rossi, W. A. Rozenzweig. A device for the measurement of dose as a function of specific ionization, Radiology 64 (1955) 404.
- T. Liamsuwan, M. Hultqvist, L. Lindborg, S. Uehara, H. Nikjoo. Microdosimetry of proton and carbon ions, Med. Phys. 41 (2014) 8.
- T. Liamsuwan, D. Emfietzoglou, S. Uehara, H. Nikjoo. Microdosimetry of low-energy electrons, Int. J. Radiat. Biol. 12 (2012) 899-907.
- H. Nikjoo, D. Emfietzoglou, T. Liamsuwan, R. Taleei, D. Liljequist, S. Uehara. Radiation track, DNA damage and response - a review. Rep. Prog. Phys. 79 (2016) 116601.
- S. Rollet, P. Colautti, B. Grosswendt, D. Moro, E. Gargioni, V. Conte, L. DeNardo. Monte Carlo simulation of mini TEPC microdosimetric spectra: