

## دزسنجی زیستی با استفاده از سنجش ریزهسته

الهام راستخواه<sup>۱</sup>، فریده ذاکری<sup>۲\*</sup>، محمدرضا فرشیدپور<sup>۳</sup> و محمدرضا رجبپور<sup>۳</sup>

<sup>۱</sup>دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم تحقیقات، تهران، ایران.

<sup>۲</sup>پژوهشگاه علوم و فنون هسته‌ای، سازمان انرژی اتمی، تهران، ایران.

<sup>۳</sup>امور حفاظت در برابر اشعه کشور، سازمان انرژی اتمی، تهران، ایران.

\* تهران، انتهای خیابان کارگر شمالی، پژوهشگاه علوم و فنون هسته‌ای، کدپستی: ۱۴۳۹۹-۵۱۱۱۳

پست الکترونیکی: fzakeri@aeoi.org.ir

چکیده

پیشرفت سریع و روز افزون کاربرد پرتوها در زمینه‌های مختلف پزشکی، صنعتی و افزایش تأسیسات و فعالیت‌های هسته‌ای، افراد شاغل در این مراکز را در معرض خطر بالاتر پرتوگیری نسبت به گذشته قرار می‌دهد. با توجه به خطرات زیستی و تأثیرات سوء این پرتوگیری‌ها بر سلامت افراد، تخمین دز واقعی رسیده به بدن برای اتخاذ تدابیر درمانی مناسب و به موقع، حائز اهمیت فراوان است. در حوادث پرتویی با ابعاد وسیع که نیاز به دسته‌بندی سریع مصدومین است، استفاده از روش سنجش ریزهسته و دزسنجی زیستی بر اساس تهیه منحنی دز-پاسخ بسیار ارزشمند بوده و از کارایی بالایی برخوردار است. برای تهیه و رسم منحنی دز-پاسخ با این روش، نمونه خون از ۱۶ نفر زن و مرد سالم در دو گروه سنی مختلف گرفته شد و تحت تابش پرتو گاما با دزهای ۰،۰/۵، ۰،۱، ۰،۲ و ۰،۴ گری قرار گرفتند. پس از کشت و محصول برداری و تهیه لام، تعداد ریزهسته‌ها در هر دز شمارش و منحنی دز-پاسخ رسم شد که از تابع خطی درجه دو تعیت می‌کرد. جهت بررسی کارآئی منحنی به دست آمده، تخمین دز در دو مورد حادثه پرتوگیری شغلی و دو نمونه خون پرتودهی شده با دزهای نامشخص با هر دو روش استاندارد بررسی متافاز (شکستهای کروموزومی دو سانترومری) و ریزهسته انجام شد و نتایج آن مورد مقایسه قرار گرفت. تطابق بسیار خوب نتایج حاصل از هر دو روش، نشان‌دهنده کارایی بالای روش سنجش ریزهسته در تخمین دز زیستی است.

کلیدواژگان: ریزهسته، پرتو یونیزیان، منحنی دز-پاسخ، دزسنجی زیستی، لنفوسيت‌های خون.

است. ریزهسته از تقسیم هسته به وجود می‌آید و می‌تواند از

### ۱. مقدمه

قطعه‌های کروموزومی بدون سانترومر و یا کروموزوم کامل باشد که در مرحله آنافاز از تقسیمات سلولی قادر به اتصال به دوک تقسیم نیستند، در نتیجه به هسته سلول دختر منتقل

سنجش ریزهسته<sup>۱</sup> (MN) با استفاده از روش توقف تقسیم سیتوپلاسم از روش‌های معتبر و استاندارد دزسنجی زیستی

<sup>۱</sup> Micronucleus (MN)

نشان داده است. بر اساس قوانین کمیسیون بین‌المللی حفاظت در برابر پرتو<sup>۱</sup> (ICRP) حد مجاز پرتوگیری برای پرتوکاران ۲۰ میلی‌سیورت در سال است که نباید از ۵۰ میلی‌سیورت در یک سال و از ۱۰۰ میلی‌سیورت در ۵ سال تجاوز کند. اما در گروه‌های مختلف پرتوکاران و حوادث، مواردی از پرتوگیری بالاتر از حد مجاز مشاهده می‌شود. در این موارد علاوه بر روش‌های فیزیکی سنجش دز، استفاده از نشانگرهای زیستی مناسب جهت تخمین دز واقعی پرتوگیری بدن یا دز زیستی ضروری به نظر می‌رسد. از آن‌جا که روش سنجش ریزه‌سته از حساسیت بالایی برخوردار بوده و در مقایسه با سایر روش‌های دزسنجی زیستی، ارتباط خوبی با نتایج روش بررسی دوسانتر و مری و جایه‌جایی کروموزومی دارد، در تخمین دز حوادث پرتوبی از آن استفاده می‌شود [۹].

در روش سنجش ریزه‌سته، کشت لنفوسيت‌ها به دو روش کشت خون کامل یا لنفوسيت‌های جدا شده صورت می‌گیرد. به منظور دزسنجی زیستی، کشت خون کامل مناسب‌تر است. در حالی که کشت لنفوسيت‌های جدا شده از خون امکان مطالعه آسیب‌های ژنومی بیشتری را در مقایسه با روش کشت خون کامل فراهم می‌کند [۱۰-۱۲].

على رغم پیشرفت‌های انجام شده هنوز هم تفاوت بارزی در بین آزمایشگاه‌های دزسنجی زیستی وجود دارد. بنابراین آژانس بین‌المللی انرژی اتمی توصیه می‌کند که هر آزمایشگاه دزسنجی زیستی، منحنی دز-پاسخ مربوط به خود را تهیه و استفاده نماید. لذا هدف از این پژوهش بررسی اثرات پرتو گاما بر لنفوسيت‌های خون انسان و تهیه منحنی دز-پاسخ در محدوده دز ۰-۴۰ گری با استفاده از روش سنجش ریزه‌سته (کشت خون کامل) برای دزسنجی زیستی در پرتوگیری‌های شغلی بالاتر از حد مجاز و در دسته‌بندی سریع مصدومین در حوادث پرتوبی است.

نمی‌شوند. ریزه‌سته‌ها با شکل و ویژگی‌های رنگ‌آمیزی مشابه هسته، در درون سیتوپلاسم سلول‌های دوهسته‌ای دختری قرار می‌گیرند [۱-۸].

پرتوگیری با پرتوهای یون‌ساز سبب شکل‌گیری ریزه‌سته می‌گردد. البته عواملی مانند سن، جنس، رژیم غذایی و سبک زندگی نیز در بروز حد زمینه ریزه‌سته در جمعیت‌های مختلف تأثیر دارد [۹]. سنجش ریزه‌سته، از کامل‌ترین و معترض‌ترین روش‌های استاندارد دزسنجی زیستی است. این روش از بهترین نشانگرهای پرتوهای یونیزان است و امکان مقایسه مستقیم ایجاد ریزه‌سته‌ها و شکستهای کروموزومی را می‌سازد و این روش، ارزیابی پارامترهای دیگر آسیب ژنومی را نیز امکان‌پذیر ساخته است [۱۰]. پرتوگیری‌هایی با دز بالا منجر به بروز اثرات قطعی و پرتوگیری مزمن منجر به اثرات احتمالی در طول زندگی پرتوکاران می‌شود. در همین راستا، ضرورت توسعه شیوه‌های مطمئن برای برآورد میزان پرتوگیری و دز دریافتی افراد، به‌ویژه در مواردی که زمان پرتوگیری از دزسنج‌های متداول استفاده نشده باشد، روزبه‌روز بیشتر احساس می‌شود. بنابراین علاوه بر روش‌های فیزیکی سنجش دز، استفاده از نشانگرهای زیستی مناسب جهت تخمین دز واقعی پرتوگیری بدن یا دزسنجی زیستی ضروری به نظر می‌رسد. تعیین دز پرتو بر مبنای آثار زیستی آن، در هنگام وقوع حادث پرتوبی، به پزشکان کمک می‌کند تا نه تنها بر اساس نشانه‌های بالینی بلکه بر اساس نتایج تخمین دز زیستی، تدابیر لازم برای زمان شروع و روند مراقبت‌های پزشکی را اتخاذ نمایند. از این رو در طی سال‌های اخیر توجه و تمرکز جوامع علمی مرتبط با حفاظت در برابر پرتوها، بر یافتن نشانگرهای زیستی مناسب جهت تخمین دز زیستی افراد در کوتاه‌ترین زمان ممکن، معطوف شده است. نتایج بررسی‌های انجام شده کارکنان نیروگاه‌های هسته‌ای، پرتوپیشکی و رادیولوژی، وقوع شکستهای کروموزومی در لنفوسيت‌های خون این افراد را

<sup>۱</sup> International Commission of Radiation Protection

شد. میدان تابش  $30 \times 30$  سانتی متر و  $Kair=254$  میلی گری در دقیقه بود [۱۳].

## ۲. مواد و روش‌ها

### ۱.۲. نمونه‌گیری

**۳.۲. روش کشت برای سنجش ریزهسته**

دو کشت مجزا هر کدام شامل  $0/5$  میلی لیتر خون به  $4/5$  میلی لیتر محیط کشت  $1640$  RPMI اضافه شد. کشت‌ها به مدت  $72$  ساعت در دمای  $37$  درجه سانتی گراد قرار داده شدند.  $4$  ساعت پس از شروع کشت  $6$  میکروگرم بر میلی لیتر سیتوکالازین-ب به محیط اضافه شد. پس از گذشت  $72$  ساعت، مطابق با روش استاندارد مخصوص برداری و تثبیت نمونه‌ها به ترتیب با استفاده از محلول پتابسیم کلرید ( $0/075$  مولار) و محلول تثبیت‌کننده اسید استیک و متانول (به نسبت  $1/3$  و سه نوبت شستشوی رسوب با محلول تثبیت‌کننده انجام و از رسوب حاصل، لام تهیه شد و رنگ آمیزی گیمسا صورت گرفت و نمونه‌ها مورد ارزیابی میکروسکوپی قرار گرفتند [۱۳]. برای تعیین تعداد کل ریزهسته‌ها در سلول‌های دوهسته‌ای، برای هر نمونه در مجموع  $1000$  سلول دوهسته‌ای با دیواره سیتوپلاسمی سالم در زیر میکروسکوپ مطالعه شد.

### ۴.۲. روش کشت برای بررسی متافاز

روش بررسی متافاز، برای بررسی کارآیی منحنی به‌دست آمده از روش سنجش ریزهسته و مقایسه نتایج حاصل از آن به کار گرفته شد. در این روش لنفوسيت‌های جدا شده از خون با استفاده از محیط کشت شامل  $1640$  RPMI و  $20$  درصد سرم جنین گاو،  $100$  واحد بین‌المللی در میلی لیتر پنی سیلین،  $100$  میکروگرم بر میلی لیتر استرپتومایسین،  $0/2$  درصد فیتوهاماگلوتینین و  $0/05$  میکروگرم بر میلی لیتر کلسミد به مدت  $48$  ساعت کشت داده شدند (لازم به ذکر است که تمامی مواد ساخت شرکت Gibco / کشور آمریکا است). سپس

بر اساس دستورالعمل استاندارد آژانس بین‌المللی انرژی اتمی [۱۳] از  $16$  نفر داوطلب شامل  $8$  نفر زن و  $8$  نفر مرد در دو گروه سنی  $20-34$  و  $35-50$  (در بازه‌های  $15$  ساله) نمونه‌گیری خون به میزان  $5$  میلی لیتر و در لوله‌های حاوی ماده ضد انعدام سدیم هپارین انجام شد. داوطلبان افرادی سالم، غیرسیگاری و بدون ابتلا به هر گونه بیماری حاد یا مزمن بودند. حداقل شش ماه پیش از نمونه‌گیری هیچ گونه دارو، به خصوص از آنتی‌بیوتیک‌ها استفاده ننموده، تحت رادیوگرافی تشخیصی و درمانی نیز قرار نگرفته بودند. در نمونه‌گیری کلیه ملاحظات اخلاقی رعایت شده و فرم رضایت‌نامه توسط افراد تکمیل شد.

### ۲.۲. پرتوودهی نمونه‌ها

هر نمونه خون به  $6$  قسمت مساوی برای پرتوودهی با دزهای  $0/25$ ،  $0/5$ ،  $1$ ،  $2$  و  $4$  گری و یک نمونه به عنوان کشت کترول (صفر گری)، در لوله‌های کوچک استریل دو میلی لیتری تقسیم شد و اطلاعات هر نمونه کدگذاری شد. بیشینه زمان بین خون‌گیری و پرتوودهی  $1$  ساعت و بیشینه زمان بین خون‌گیری تا کشت  $3/5$  ساعت بود.

پرتوودهی نمونه‌های خون با دستگاه کبالت  $60$  (تراترون  $780$  - ساخت کشور کانادا) در آزمایشگاه استاندارد ثانویه دزسنجی سازمان انرژی اتمی واقع در کرج و با دزهای  $0/25$ ،  $0/5$ ،  $1$ ،  $2$  و  $4$  گری انجام شد. دزهای انتخابی جهت پرتوودهی نمونه‌های خون بر اساس دستورالعمل استاندارد آژانس انتخاب شد. فاصله نمونه‌ها تا منبع پرتو  $100$  سانتی متر بود و پرتوودهی در دمای اتاق در داخل فانتومی از جنس پلکسی گلاس انجام

سانترومرها در طول آنافاز به سمت دو قطب مخالف کشیده شده‌اند و نشانگر میزان بازارایی کروموزومی هستند. جوانه هسته‌ای، شکلی شبیه به ریزه‌سته دارد با این تفاوت که توسط یک ساقه باریک یا نسبتاً پهن به هسته متصل شده و نشانه تکثیر ژنی<sup>۳</sup> است.

## ۶.۲ بررسی‌های آماری

هدف از رسم منحنی دز-پاسخ به‌دست آوردن مناسب-ترین مقادیر ضرایب  $\alpha$ ،  $\beta$  و  $C$  در معادله خطی-درجه دو است که بهترین سازگاری را با نقاط منحنی داشته باشند. بررسی واریانس، همبستگی و انحراف استاندارد از میانگین، برای هر دسته از داده‌ها با استفاده از نرم افزار SPSS-21 انجام شد. همچنین برای بررسی همبستگی بین داده‌های ریزه‌سته با صفات مورد بررسی، ضریب همبستگی نیز محاسبه شد. به منظور تطابق با مدل خطی-درجه دو از روش کمترین توان‌های دوم با آزمون تکراری<sup>۴</sup> استفاده شد که منجر به تخمین حدکثر احتمال<sup>۵</sup> برای تطابق پارامترهای به‌دست آمده شد. به منظور انجام مراحل آماری فوق از نرم افزارهای پیشنهادی آژانس بین‌المللی انرژی اتمی مانند CABAS-2 و Dose Estimate استفاده و نتایج آن با هم مقایسه شد [۱۳].

## ۳. نتایج

توزیع ریزه‌سته‌ها در لنفوسيت‌های ۱۶ نمونه در دز صفر و پس از پرتودهی با دزهای مختلف شمارش شد. میانگین سنی برای زنان ۲۰-۳۴ و ۳۵-۵۰ سال، به ترتیب ۳۰ و ۳۹ سال و برای مردان به ترتیب ۳۱ و ۴۵ سال بود. انواع آسیب‌های ژنومی ناشی از پرتو در شکل ۱ نشان داده شده است.

سلول‌های کشت داده شده در محلول هیپوتونیک پتانسیم کلرید (۰/۰۷۵ مولار) با دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد به مدت ۲۰ دقیقه قرار گرفتند [۱۳]. با استفاده از محلول اسید استیک و متانول (۱:۳) مراحل ثبت نمونه‌ها انجام شد. لام‌ها تهیه و در جریان هوا خشک و با استفاده از گیمسا رنگ‌آمیزی شدند. در نهایت با شمارش ۵۰۰ متفااز برای هر نمونه ناهنجاری‌های کروموزومی ناپایدار از قبیل کروموزوم دوسانترومری و کروموزوم حلقه سانترومردار مورد بررسی قرار گرفت.

## ۵. معیارهای انتخاب سلول‌های قابل شمارش

انتخاب سلول‌های مناسب و الگوی شمارش سلول‌های دوهسته‌ای واجد ریزه‌سته، با استفاده از معیارهای پیشنهادی در دستورالعمل آژانس بین‌المللی انرژی اتمی به شرح زیر انجام شد [۱۳]. ریزه‌سته به هسته اصلی متصل نیست. هر یک از سلول‌های دوهسته‌ای واجد ریزه‌سته، باید از غشاء هسته‌ای کامل برخوردار بوده و در یک محدوده‌ی سیتوپلاسمی مشخص واقع شده و هسته‌ها باید تقریباً هماندازه باشند. ریزه‌سته خصوصیات رنگ‌پذیری مشابهی با هسته‌ی اصلی دارد و قطر آن در لنفوسيت انسان بین  $\frac{1}{16}$  تا  $\frac{1}{3}$  قطر هسته‌ی اصلی متغیر است.

پل نوکلئوپلاسمی<sup>۱</sup> و جوانه هسته‌ای<sup>۲</sup> در سلول دوهسته‌ای مورد مطالعه در روش سنجش ریزه‌سته، نیز مشاهده می‌شود که از سایر آسیب‌های ژنومی هستند. پل‌های نوکلئوپلاسمی اتصال ممتدی بین هسته‌های اصلی در سلول‌های دوهسته‌ای هستند که قطرشان از  $\frac{1}{4}$  قطر هسته داخل سلول بیشتر بوده و دارای رنگ‌آمیزی یکسانی با هسته اصلی هستند. پل‌های نوکلئوپلاسمی، کروموزوم دوسانترومری بوده که بر روی

<sup>3</sup> Gene amplification

<sup>4</sup> Iteratively reweighted least squares

<sup>5</sup> Maximum likelihood

<sup>1</sup> Nuclear Bridge

<sup>2</sup> Nuclear Bud

نتایج به دست آمده اختلاف معنی‌داری میان ضرایب  $\alpha$ ،  $\beta$  و C برای روابط به دست آمده برای زنان و مردان در سنین مختلف نشان نداد. در نهایت نتایج حاصل از داده‌های ۴ گروه از افراد برای رسم یک منحنی دز-پاسخ نهایی ادغام و نتیجه به صورت معادله نهایی گزارش شد. ضرایب  $\alpha$  و  $\beta$  و C به دست آمده با هر دو نرمافزار CABAS-2 و Dose Estimate مطابقت داشتند. انتشار درون سلولی ریزهسته در سلول‌های دوهسته‌ای برای تطبیق با مدل پوآسون بررسی شدند. نسبت واریانس به میانه با افزایش دز، افزایش نشان می‌دهد. برای توزیع غیرپوآسون بسیار پراکنده، در برآوردها باید پراکنده‌گی زیاد را مد نظر داشت.

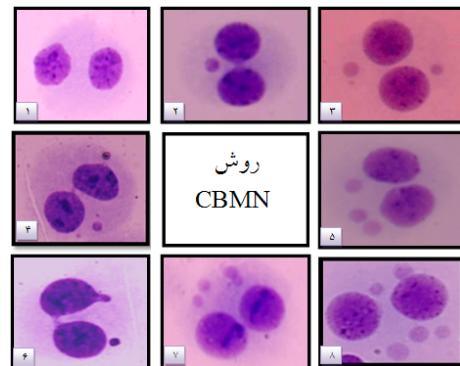
### ۲.۳ ارزیابی کارایی منحنی دز-پاسخ ۰-۴ گری با روش سنجش ریزهسته

بررسی و مقایسه نتایج تخمین دز برای ۲ مورد فرد حادثه دیده در پرتوگیری شغلی از طریق دو روش سنجش ریزهسته و بررسی متافاز انجام شد که نتایج آن در جدول‌های ۲ و ۳ نشان داده شده است. لازم به ذکر است که این افراد پرتونگاران صنعتی بودند که در حین کار دچار حادثه و پرتوگیری ناشی از نقص فنی دستگاه شدند و جهت تشخیص میزان پرتوگیری و دز دریافتی به سازمان انرژی اتمی مراجعه کرده بودند.

جدول (۱): ایجاد ریزهسته‌ها در لنفوسيت‌های خون انسان ناشی از پرتو گاما.

(اعداد حاصل بیانگر تعداد ریزهسته‌ها در ۱۰۰۰ سلول دوهسته‌ای هستند)

مردان					زنان					جنس						
۵۰-۳۵ سال					۳۴-۲۰ سال					۵۰-۳۵ سال					دز	
۱۱	۱۳	۱۳	۱۲	۶	۹	۹	۱۲	۱۰	۱۰	۱۱	۱۴	۵	۷	۱۱	۱۴	۰
۴۱	۲۵	۲۹	۲۵	۲۲	۳۷	۲۷	۲۹	۳۶	۴۴	۲۸	۳۵	۲۰	۱۸	۲۴	۴۹	۰/۲۵
۷۱	۷۱	۷۰	۵۹	۵۱	۷۲	۵۸	۵۴	۶۷	۶۹	۶۱	۶۸	۵۲	۶۰	۶۱	۸۱	۰/۵
۱۲۱	۱۲۸	۱۲۷	۹۲	۹۹	۱۱۸	۱۱۲	۱۰۹	۱۳۳	۱۰۲	۱۴۰	۱۰۳	۱۱۹	۱۰۱	۱۱۵	۱۲۶	۱
۲۱۲	۳۵۲	۳۲۳	۲۱۶	۲۷۵	۳۲۰	۲۴۵	۲۸۰	۲۳۷	۲۲۲	۲۳۵	۲۲۰	۲۴۵	۳۱۰	۲۸۵	۲۵۶	۲



شکل (۱): انواع سلول‌ها و آسیب‌های ژنومی با استفاده از روش ریزهسته، ۱. یک سلول دوهسته‌ای سالم بدون ریزهسته، ۲. با یک ریزهسته، ۳. با دو ریزهسته، ۴. با دو ریزهسته و یک پل نوکلنوپلاسمی، ۵. با سه ریزهسته، ۶. با یک ریزهسته و یک پل نوکلنوپلاسمی و یک جوانه هسته‌ای، ۷. با چهار ریزهسته، ۸. با پنج ریزهسته.

### ۱.۳. منحنی دز-پاسخ در دزهای ۰-۴ گری

نتایج حاصل از شمارش تعداد ریزهسته‌ها در دزهای مختلف پرتو در جدول ۱ نشان داده شده است. با استفاده از این داده‌ها منحنی کلی دز-پاسخ رسم شد که معادله آن به صورت زیر است:

$$Y = 0.0109 (\pm 0.0009) + 0.0799 (\pm 0.0030) (D + 0.0284 (\pm 0.0010) D^2) \quad (1)$$

در معادله ۱، Y حاصل شکسته‌های کروموزومی و D نشان‌دهنده دز پرتو است. همچنین درجه آزادی ۳، مقدار p  $0.007$ ، ضریب  $2.99 \times 10^{-4}$  و ضریب کای به توان دو  $11/98$  به دست آمد.

جدول (۲): تخمین دز برای ۲ فرد حادثه‌دیده شغلی با استفاده از روش ریزه‌سته.

نمونه	دوهسته‌ای شمارش شده	فرابانی	دز تخمین زده شده (گری) $\pm$ انحراف استاندارد	حد پایین دز (گری)	درصد حد بالای دز (گری)	درصد ۹۵
۱	۹۸۵	۹۲	$0/۸۰۳ \pm 0/۰۹۵$	۰/۶۱۷	۰/۹۹۰	۹۵
۲	۱۰۰	۳۹	$0/۳۱۶ \pm 0/۰۸۴$	۰/۱۵۲	۰/۴۸۱	۹۵

جدول (۳): تخمین دز برای ۲ فرد حادثه‌دیده شغلی با استفاده از روش بررسی متافاز.

نمونه	شمارش شده	و حلقه سانترومردار**	تعداد متافاز شکست کروموزومی دوسانترومر*	نمونه دز تخمین زده شده (گری) $\pm$ انحراف استاندارد
۱	۵۰۰	۱۰	$0/۸۰۸ \pm 0/۰۹۲$	$0/۸۰۳ \pm 0/۰۹۵$
۲	۵۲۴	۳	$0/۳۰۶ \pm 0/۰۸۳$	$0/۳۱۶ \pm 0/۰۸۴$

شکستهای Dicentric Ring و Centric Ring\*\* از شکستهای کروموزومی ناپایدار واجد سانترومر بوده که در تخمین دز زیستی مورد استفاده قرار می‌گیرند.

ریزه‌سته،  $1/۹۲۵ \pm 0/۱۰۸$  گری و به روش بررسی متافاز،  $1/۸۷۵ \pm 0/۱۱۵$  گری است. در نمونه ۲، میزان دز تخمین زده شده به روش ریزه‌سته،  $1/۱۲۷$  گری و به روش بررسی متافاز،  $3/۹۸۷ \pm 0/۲۵۵$  گری است. تطابق بسیار خوبی در هر دو روش مشاهده شد.

جدول (۴): تخمین دز ۲ نمونه با دز نامشخص با استفاده از سنجش ریزه‌سته.

نمونه	دوهسته‌ای شمارش ریزه‌سته شده	فرابانی	تعداد سلول‌های دز تخمین زده شده (گری) $\pm$ انحراف استاندارد
۱	۱۰۰۰	۲۷۰	$1/۹۲۵ \pm 0/۱۰۸$
۲	۱۰۰۰	۷۸۹	$4/۰۱۳ \pm 0/۱۲۷$

\* فرابانی ریزه‌سته‌ها با توجه به سلول‌های واجد ۱-۶ ریزه‌سته محاسبه شده است.

جدول (۵): تخمین دز ۲ نمونه با دز نامشخص با روش بررسی متافاز.

نمونه	شمارش	تعداد	شکست کروموزومی	دز تخمین زده شده	نمونه	شمارش	تعداد	شکست کروموزومی	دز تخمین زده شده
۱	۳۴۲	۱۰۰	۰/۸۷۵ $\pm 0/۱۱۵$	۱/۸۷۵ $\pm 0/۱۱۵$	۲	۸۷	۱۰۰	$2/۹۸۷ \pm 0/۲۵۵$	$1/۹۲۵ \pm 0/۱۰۸$

شکستهای Dicentric Ring و Centric Ring\*\* از شکستهای کروموزومی ناپایدار واجد سانترومر بوده که در تخمین دز زیستی مورد استفاده قرار می‌گیرند.

در تخمین دز افراد حادثه دیده با دو روش نیز مطابقت بسیار خوبی میان نتایج وجود داشت. در فرد شماره ۱، میزان دز تمام بدن تخمین زده شده با استفاده از روش ریزه‌سته،  $0/۸۰۳ \pm 0/۰۹۵$  گری است (حد پایین دز برابر  $0/۶۱۷$  گری و حد بالای دز برابر  $0/۹۹۰$  گری است) و میزان دز با روش بررسی متافاز،  $0/۸۰۸ \pm 0/۰۹۲$  گری تخمین زده شد. در فرد شماره ۲، میزان دز تمام بدن تخمین زده شده با روش ریزه‌سته،  $0/۳۱۶ \pm 0/۰۸۴$  گری است (حد پایین دز برابر  $0/۱۵۲$  گری و حد بالای دز برابر  $0/۴۸۱$  گری است) و دز با روش بررسی متافاز،  $0/۳۰۶ \pm 0/۰۸۳$  گری تخمین زده شد. همان‌گونه که مشاهده می‌شود تخمین دز با هر دو روش حدود یکسانی از دز پرتو را نشان می‌دهد. همچنین ۲ نمونه خون با دز نامشخص در آزمایشگاه استاندارد ثانویه دزسنجی سازمان انرژی اتمی واقع در کرج پرتودهی شدند و در شرایط یکسان، تخمین دز با دو روش بررسی متافاز و سنجش ریزه‌سته برای آن‌ها صورت گرفت، نتایج تخمین دز در جدول‌های ۴ و ۵ قرار داده شد. تمامی ملاحظات برای تخمین دز ۲ نمونه خون با دز نامشخص با هر دو روش سنجش ریزه‌سته و بررسی متافاز صورت گرفت. در نمونه ۱، میزان دز تخمین زده شده به روش

جدول(۶): مطابقت و مقایسه ضرایب منحنی دز- پاسخ ۴- ۰- گری تحقیق حاضر با مقادیر منحنی های دز- پاسخ محققان سایر کشورها.

#### ۴. بحث و نتیجه‌گیری

به منظور تهیه منحنی دز-پاسخ با استفاده از روش سنجش ریزه‌سته، نمونه‌های ۱۶ نفر (در دو گروه زن و مرد در دو بازه سنی ۱۵ سال) تحت تابش دزهای ۰-۴ گری قرار گرفتند. از آنجایی که تفاوت معنی‌دار بین نتایج به دست آمده در دو گروه مجزا از نظر سن و جنس مشاهده نشد، داده‌ها ادغام شده و منحنی دز-پاسخ کلی آن به صورت خطی-درجه دو با معادله زیر به دست آمد:

$$Y = 0.0109(\pm 0.0009) + 0.0799(\pm 0.0030)D + 0.0284(\pm 0.0010)D^2$$

درستی ضرایب منحنی کلی رسم شده از طریق مقایسه ضرایب منحنی دز-پاسخ به دست آمده با منحنی‌های دز-پاسخ استاندارد رسم شده توسط کشورهای مختلف بررسی شد که نتایج آن در جدول ۶ نشان داده شده است.

جدول مذکور بر اساس متغیرهای شاخص، نام محقق و سال بررسی آن‌ها تنظیم شده است. این بررسی شامل: نام کشوری که افراد مورد مطالعه قرار گرفته‌اند (که همگی سالم بودند)، نوع اشعه مورد استفاده، محدوده دز و تندی دز به کار رفته، جنسیت افراد و گروه سنی در مقالات مورد مطالعه تهیه شده است. مطابق مقادیر حاصل از منحنی دز-پاسخ، تحقیق حاضر با ۸ مقاله‌ی نخست هم‌خوانی خوبی دارد و با ۲ مقاله انتهایی هم‌خوانی کمتری دارد. این تفاوت می‌تواند ناشی از عوامل تأثیرگذار در وقوع ریزه‌سته شامل: جنسیت افراد، تندی دز، نوع اشعه‌ی پرتودهی شده و میزان تندی دز در مطالعات مختلف باشد که در تهیه‌ی منحنی دز-پاسخ بسیار حائز اهمیت هستند و باعث اختلاف و تفاوت در ضرایب منحنی دز-پاسخ می‌شوند [۱۴].

جهت ارزیابی کارایی منحنی دز-پاسخ ۰-۴ گری ریزه‌سته، مطالعات زیر به عمل آمد: تخمین دز دو مورد فرد حادثه دیده

شغلی و دو نمونه خون که با دز نامشخصی پرتودهی شدند با دو روش بررسی متافاز و ریزه‌سته انجام شد. نتایج حاصل از این مطالعه، مطابقت نتایج حاصل از هر دو روش را نشان داد. تطابق بسیار خوب نتایج، بیانگر دقیق تخمین دز با استفاده از منحنی دز-پاسخ تهیه شده با روش سنجش ریزه‌سته است. تخمین دز سریع و قابل اطمینان و صحیح حاصل نقش مهمی در تشخیص وضعیت بالینی و اتخاذ تدابیر درمانی مناسب برای افراد پرتودیده دارد. روش سنجش ریزه‌سته روشی دقیق و حساس است و از آن‌جا که در مقایسه با روش بررسی دوسانترومری، از حساسیت و دقیقی برخوردار است، می-توان آن را جایگزین مناسبی برای روش دوسانترومری دانست [۱۳، ۲۲، ۲۹]. بنابر توصیه آژانس بین‌المللی انرژی اتمی در موقعی که بررسی‌های متعدد و سرعت تخمین دز زیستی مدنظر باشد، مانند حوادث پرتونی جدی که منجر به پرتوگیری تعداد زیادی از افراد شود، این روش حائز اهمیت فراوان است و آزمایشگاه‌های دزسنجی زیستی کشورها باید مجهز به این روش باشند.

بنابراین این منحنی در آزمایشگاه دزسنجی زیستی امور حفاظت در برابر اشعه کشور تهیه گردید. تشخیص سریع و آسان شکست‌ها که بدون نیاز به تجربه و مهارت متخصص ژنتیک است، همچنین غربال‌گری اقتصادی از دیگر مزایای این روش محسوب می‌شوند.

همچنین امکان شمارش خودکار ریزه‌سته‌ها با استفاده از نرم‌افزارهای مخصوص نیز وجود دارد. استفاده از سیستم خودکار بررسی ریزه‌سته، مدت زمانی را که کارشناس صرف شمارش سلول‌های دوهسته‌ای می‌کند، بسیار کاهش داده و از خطاهای چشمی پیشگیری نموده و امکان انجام تحلیل‌های آماری دقیق‌تر را فراهم می‌آورد.

بنابراین در مواردی از حوادث پرتونی که تعداد زیادی از افراد درگیر در حادثه باید مورد بررسی قرار گیرند می‌تواند

حدود ۰/۱ گری کاهش می‌باید [۳۰] و راهاندازی آن در آزمایشگاه‌های دزسنجی زیستی پیشنهاد می‌گردد.

## ۵. علایم، نشانه‌ها

Gray، گری.

انحراف معیار. Standard Deviation .SD

بسیار مفید باشد و راهاندازی و استفاده از سیستم‌های خودکار جهت شناسایی و یافتن این سلول‌ها در آزمایشگاه‌های دزسنجی زیستی پیشنهاد می‌گردد.

در روش سنجش ریزهسته تخمین دز عموماً از محدوده دزهای ۰/۲۰-۰/۵ گری آغاز و به ۴-۵ گری ختم می‌شود. اما با ادغام آن با روش رنگ آمیزی<sup>۱</sup> FISH حداقل تخمین دز به

<sup>۱</sup> Fluorescence In Situ Hybridization

## ۶. مراجع

- [1] O.V. Lyulko, G. Garty, G. Randers-Pehrson, B. Szolc, D. Brenner. Fast image analysis for the micronucleus assay in a fully automated high-throughput biodosimetry system, *Rad. Res.* 181(2) (2014) 146–161.
- [2] E. Ainsbury, E. Bakhanova, J. Barquinero, M. Brai, V. Chumak, V. Correcher, F. Darroudi, P. Fattibene, G. Gruel, I. Guclu, S. Horn1, A. Jaworska, U. Kulka, C. Lindholm, D. Lloyd, A. Longo, M. Marrale, O. Monteiro, U. Oestreicher, J. Pajic, B. Rakic, H. Romm, F. Trompier, I. Veronese, P. Voisin, A. Vral, C. Whitehouse, A. Wieser, C. Woda, A. Wojcik. Review of retrospective dosimetry techniques for external ionising radiation exposures. *Radiat. Prot. Dosim.* 147(4) (2011) 573–592 .
- [3] M. Maria, N. Frassinetti, A. Amaral. Current status of biodosimetry based on standard cytogenetic methods. *Rad. Res.* 49 (2010) 567–581.
- [4] T. Groesser, E. Chun, B. Rydberg. Relative Biological Effectiveness of HZE Fe Ions for Induction of Micro-Nuclei at Low Doses. *Rad. Res.* 168(6) (2007) 74–157.
- [5] M. Fenech. Chromosomal biomarkers of genomic instability relevant to cancer. *Drug Discov. Today.* 7(22) (2002) 1128–1137.
- [6] M. Fenech. The in vitro micronucleus technique. *Mutat. Res.* 455 (2000) 81–95.
- [7] M. Fenech, S. Bonassi. The effect of age, gender, diet and lifestyle on DNA damage measured using micronucleus frequency in human peripheral blood lymphocytes. *Mutagenesis.* 26 (2011) 43–49.
- [8] M. Kirsch-Volders, M. Fenech. Inclusion of micronuclei in non-divided mononuclear lymphocytes and necrosis/apoptosis may provide a more comprehensive cytokinesis block micronucleus assay for biomonitoring purposes. *Mutagenesis.* 16(1) (2001) 51–58.
- [9] H. Thierens, A. Vral. The micronucleus assay in radiation accidents. *Ann. Ist. Super Sanità.* 45 (3) (2009) 260–264.
- [10] J. Pejchal, V. Vasilieva, M. Hristozova, Z. Vilasov, J. Vvrov, M. Alyakov, A. Tich, L. Zrybnick, Z. Šinkorov, V. Tambor, K. Kubelkov, J. Dresler. Cytokinesis-block micronucleus (CBMN) assay/CBMN cytome assay in human lymphocytes after in vitro irradiation and its use in biodosimetry. *Mmil. Med. Sci. Lett.* 80 (2011) 28–37.
- [11] ذاکری، فریده. بررسی‌های سیتوژنتیک در تعیین دز پرتو. کتاب راهنمای آزانس بین‌المللی انرژی اتمی. انتشارات اندیشه ظهور (۱۳۸۳).
- [12] M. Fenech. The lymphocyte cytokinesis-block micronucleus cytome assay and its application in radiation biodosimetry. *Health Phys.* 98(2010) 234–243.
- [13] International Atomic Energy Agency cytogenetic dosimetry: applications in preparedness for and response to radiation emergencies. IAEA-EPR, Vienna, (2011).
- [14] S. Acharya, G. Sanjeev, N. Bhat, Y. Narayana. Dose rate effect of pulsed electron beam on micronucleus frequency in human peripheral blood lymphocytes. *Arh. Hig. Rada. Toksikol.* 61(2010) 77–83.
- [15] F. Pala, F. Alkaya, K. Tabakcioglu, F. Tokatli, C. Uzal, S. Parlar, C. Algunes. The Effects of Micronuclei with Whole Chromosome on Biological Dose Estimation. *Turk. J. Biol.* 32(4) (2008) 283–290.

- [16] M. Di Giorgio, N. Nora, H. Laura. Influence of Age ·Sex ·and life factors on the spontaneous and radiation induced micronuclei frequencies. Report on co-operative study of national nuclear regulatory of Argentina and IAEA., (1995).
- [17] Y.J. Go, J.H. Shin, K.S. Jeong, S.J. Park, M.H. Lee, D.M. Kwak, O.D. Kwon, S.H. Kim, S.Y. Ryu, C.H. Kim, E.J. Kim, Ch.M. Kang, T.H. Kim. Dose estimation with the calibration of dose-response curve of micronucleus in human peripheral lymphocytes induced by 50MeV proton beams. *I.J.R.R.* 8(4) (2011) 231–236.
- [18] A. Amicis, A. Amati, S. Cristofaro, V. Franchini, M. Franco, E. Regalbuto, F. Lista, S. Sanctis. Dose estimation for dicentric chromosome assay and cytokinesis block micronucleus assay: Comparison between manual and automated scoring in triage mode. *Nato. Otan. STO-MP-HFM-223,456* (2012).
- [19] M. Kinneberg, M. Oleksandra Lyulko. Applications of the cytokinesis-block micronucleus cytome assay on human lymphocytes: Construction of a calibration curve for use in the rapid automated biodosimetry tool. Report of Columbia University on the rapid automated biodosimetric tool (RABIT) (2010).
- [20] International Atomic Energy Agency Predictive assays and their role in selection of radiation as the therapeutic modality. *IAEA-TECDOC-1297*, (2002).
- [21] S. Acharya, P. Joseph, N. Bhat, G. Sanjeev, Y. Narayana. Assessment of cell damages induced by gamma rays and pulsed electron beam at dose rates. *Indian J. Pure Ap. Phy.* 50 (2012) 474–477.
- [22] P. Atanasova, V. Hadjidekova, A. Staynova, R. Hristova. The micronuclei frequency as a biological dosimeter of absorbed dose in case of radiation accidents. *Trakia J. Sci.* 7(4) (2009) 28–32.
- [23] S. Bonassi, M. Fenech, C. Lando, Y. Lin, M. Ceppi, W. Chang, N. Holland, M. Kirsch-Volders, E. Zeiger, S. Ban, R. Barale, M. Paola Bigatti, C. Bolognesi, C. Jia, M. Di Giorgio, L. Ferguson, A. Fucic, O. Garcia Lima, P. Hrelia, A.P. Krishnaja, T. Lee, L. Migliore, L. Mikhalevich, E. Mirkova, P. Mosesso, W. Ulrich Muller, Y. Odagiri, M. Rosaria Scarfò, E. Szabova, I. Vorobtsova, A. Vral, A. Zijno. Human Micronucleus Project: International database comparison for results with the cytokines is-block micronucleus assay in human lymphocytes: I. Effect of laboratory protocol, scoring criteria, and host factors on the frequency of micronuclei. *Environ. Mol. Mutagen.* 37 (2001) 31–45.
- [24] A. Rossnerova, M. Spatova, C. Schunck, R. Sram. Automated scoring of lymphocyte micronuclei by the MetaSystems Metafer image cytometry system and its application in studies of human mutagen sensitivity and biodosimetry of genotoxin exposure. *Mutagenesis.* 26(1) (2011) 169–175.
- [25] M. Ceppi, F. Gallo, S. Bonassi. Study design and statistical analysis of data in human population studies with the micronucleus assay. *Mutagenesis.* 26(1) (2011) 247–252.
- [26] I. Decordier, A. Papine, K. Vande Loock, G. Plas, F. Soussaline, M. Kirsch-Volders. Automated image analysis of micronuclei by IMSTAR for biomonitoring. *Mutagenesis.* 26(1) (2011) 163–168.
- [27] A. Vral, M. Fenech, H. Thierens. The micronucleus assay as a biological dosimeter of in vivo ionising radiation exposure. *Mutagenesis.* 26(1) (2011) 11–17.
- [28] M. Fenech. Chromosomal biomarkers of genomic instability relevant to cancer. *Drug Discov. Today.* 7(22) (2002) 1128–1137.
- [29] N. Jamal, N. Bo Nai Lee, R. Abdul Rahim, N. Yusof, H. Talib Hassan, H. Abdul Rahman. A review on current status on cytogenetic biodosimetry methods for radiation dose assessment. *Adv. Biomed. Eng. Phys.* 6(2) (2009) 1128–1137.
- [30] R. Swanson, O. Herd, E. Ainsbury, T. Mabhengu, P. Willem, H. Thierens, J. Slabbert, A. Vral. A semi-automated micronucleus-centromere assay to assess low-dose radiation exposure in human lymphocytes. *Int. J. Radiat. Biol.* 87 (2011) 923–931.